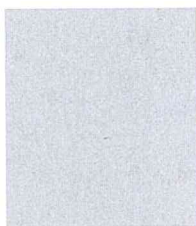


INFORMAZIONI PERSONALI

Emanuele Valtorta



📍 Piazza Ospedale Maggiore 3, 20162 Milano

☎ 0264447478 📠

✉ Emanuele.valtorta@ospedaleniguarda.it

Sesso M | Data di nascita 15/01/1970 | Nazionalità italiana

POSIZIONE PER LA QUALE SI
CONCORRE
POSIZIONE RICOPERTA
OCCUPAZIONE DESIDERATA
TITOLO DI STUDIO PER LA
QUALE SI CONCORRE

posizione ricoperta: Libero professionista presso l'Anatomia patologica dell'Azienda Ospedaliera Ospedale Ca ' Granda Niguarda, unità di Citogenetica

ESPERIENZA
PROFESSIONALE

Dal 01 Giugno 2010 ad oggi

Libero professionista

Azienda Ospedaliera Ospedale Ca ' Granda Niguarda

Citogenetista consulente

Attività o settore Citogenetica

Dal 07 Gennaio 2010 al
31 Maggio 2010

Collaboratore a contratto

Centro Biomedico Bergamasco, Rotonda dei Mille 3/A, Bergamo

Citogenetista consulente

Attività o settore Citogenetica

Novembre 2006 – Novembre 2009

Post-Dottorato

Institute of Molecular Cancer Reserach", University of Zurich , Zurich (Switzerland)

Ricercatore Post Doc

Attività o settore Ricerca.

Progetti di ricerca:

- Identificazione di alterazioni genetiche a carico del gene umano *PMS2* nella popolazione della Svizzera centrale
- Identificazione di nuovi loci potenzialmente associati alla predisposizione del cancro della prostata (2008, Finanziamento di 20.000 CHF, ottenuto dall' University Research Priority Program (URPP), Systems Biology/Functional Genomics, Research project, University of Zurich)
- Identificazioni di varianti patogenetiche del gene umano *PMS2* mediante sequenziamento genomico con FLX system (454, Roche) (2009, Finanziamento di 20.000 CHF, ottenuto dall' University Research Priority Program (URPP), Systems Biology/Functional Genomics, Research project, University of Zurich)

Ricercatore

Istituto Auxologico Italiano (IRCCS), Milano

Citogenetista ricercatore

Attività o settore Mansioni di biologo ricercatore in citogenetica, (2003-2006 Borsa di studio ottenuta dalla Scuola di Specializzazione in Genetica Medica, Università degli Studi di Milano)

Progetti di ricerca:

- Identificazione di cause genetiche di sindromi associate sia a cariotipo normale che a cariotipo con aberrazioni cromosomiche.
- Ricerca di nuovi geni implicati in sindromi mielodisplastiche mediante FISH analisi. Caratterizzazione dei punti di rottura di riarrangiamenti "rari" che rappresentano l'unica deviazione dal cariotipo normale.
- Analisi citogenetica convenzionale e molecolare di adenoma ipofisari. Valutazione del ruolo di geni appartenenti alla famiglia HMGA (High Mobility Group A) in diversi istotipi di adenomi ipofisari.
- Costruzione di contigui di cloni genomici per le regioni pericentromeriche dei cromosomi umani più frequentemente coinvolti nella genesi di marcatori sovranumerari.
- Studio del microchimerismo del cancro papillare della tiroide attraverso l'analisi FISH.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Marzo 2003- Novembre-
2006

Specializzazione in Genetica Medica (indirizzo tecnico)

Università degli studi di Milano – Facoltà di Medicina e chirurgia. Scuola di specialità in genetica Medica – CEE.

Caratterizzazione di riarrangiamenti cromosomici critici in pazienti con sospetta sindrome di Wolf-Hirschhorn, che non presentano la delezione terminale tipica del braccio corto del cromosoma 4" 70/70 e lode

Novembre 2002, Luglio
2003

Abilitazione alla professione di Biologo (Novembre 2002)

e iscrizione all'albo professionale dell'Ordine Nazionale dei Biologi (Luglio 2003).)

Ottobre 2002

Laurea in Scienze Biologiche (indirizzo Biomolecolare, orientamento Genetico microbiologico)

Università degli studi di Milano – Facoltà di Scienze Matematiche, Fisiche e Naturali.

"Amplificazione della regione cromosomica 12q14-15 ed espressione del gene HMGA2 (High Mobility Group A2) in adenomi ipofisari del tipo PRL ed NFPA."

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre

Italiano

Altre lingue

Inglese

Francese

	COMPRENSIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
	B2	B2	B2	B2	B2
Sostituire con il nome del certificato di lingua acquisito. Inserire il livello, se conosciuto					
	B2	B2	B2	B2	B2
Sostituire con il nome del certificato di lingua acquisito. Inserire il livello, se conosciuto					

Livelli: A1/2 Livello base - B1/2 Livello intermedio - C1/2 Livello avanzato
Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue

Competenze comunicative

Possiedo buone competenze comunicative acquisite durante docenza di corsi e presentazioni

Competenze organizzative e
gestionali

Buone competenze organizzative e di lavoro di équipe maturate in tutti gli ambiti lavorativi ed extra-lavorativi.

Competenze professionali	Nel corso della formazione professionale (Laurea in Scienze Biologiche, Scuola di Specializzazione in Genetica Medica e Post-Dottorato) sono state acquisite le seguenti metodologie per lo studio del DNA: Analisi Citogenetica Convenzionale: colture cellulari di differenti tipi di tessuti (sangue periferico, cellule immortalizzate, tumori solidi) Allestimento di preparati cromosomici per l'analisi citogenetica bandeggi cromosomici: QFQ (Q-Fluorescence-Quinacrine), GTG (G-Trypsin-Gimsa), e DAPI (Dystamycin A-4'-6-diamidino-2-phenylindone) Analisi del cariotipo (Sistema di cariotipizzazione Leica, Casti e Metasystems- Ikaros) preparazione di sonde genomiche per Multicolor FISH analisi: messa in coltura ed estrazione di DNA di sonde PAC, BAC, Fosmids, YAC, plasmidi, propagati in batteri (E.Coli) e lieviti. nick-translation and random priming fluorescent labelling long-range PCR. multicolor FISH analisi su metafasi e nuclei interfasici, su fibre di DNA e tessuti paraffinati. Dual color SISH (Silver In Situ Hybridisation) Immunohistochemistry Estrazione di DNA e RNA da sangue periferico e tessuti tumorali, RT-PCR Immortalizzazione di linfociti mediante EBV (Epstein Barr Virus) Microdissezione laser di cromosomi da preparati metafasici Nested PCR, DOP-PCR, Whole Genome Amplification Sequenziamento di prodotti di PCR Genome-Wide Human SNP 6.0 array analysis (Affymetrix)(preparazione dei campioni e analisi dei dati) High throughput sequencing analysis (FLX system, Roche)(preparazione dei campioni e analisi dei dati) ▪ Uso di databases Genome Browser UCSC e Ensemble
Competenze informatiche	▪ Buone conoscenze di Microsoft Office, (Excel, Outlook, PowerPoint, Word), buona abilità di gestione delle attività online
Patente di guida	Patente B
Pubblicazioni Presentazioni Progetti	S. Misale, R. Yaeger, S. Hobor, E. Scala, M.J. D.Liska, E. Valtorta, R. Schiavo, M. Buscarino, G. Siravegna, K. Bencardino, A. Cercek, C.-T. Chen, S. Veronese, C. Zanon, A.Sartore-Bianchi, M.Gambacorta, M.Gallicchio, E. Vakiani, V. Boscaro, E.Medico, M.Weiser, S.Siena, F. Di Nicolantonio, D.Solit & A. Bardelli. Emergence of KRAS mutations and acquired resistance to anti-EGFR therapy in colorectal cancer. <i>Nature</i> 2012 Jun 28; 486 (7404):532-6 2012 E.Valtorta, S. Misale, A. Sartore-Bianchi, I. Nagtegaal, F. Paraf, C.Lauricella, V.Dimartino, S.Hobor, B.acobs, C. Ercolani, E.Scala, S. Veronese, P. Laurent-Puig, S. Siena, S. Tejpar, M. Mottolese, C.J.A. Punt, M. Gambacorta, A. Bardelli. KRAS gene amplification in colorectal cancer and impact on response to EGFR-targeted therapy. <i>International Journal of Cancer</i>. Sep 1. 2013 133(5):1259-65 A. Bardelli, S. Corso, A.Bertotti, S. Hobor, E. Valtorta, G. Siravegna, A. Sartore-Bianchi, E. Scala, A. Cassingena, D.Zecchin, M. Apicella, G. Migliardi, F. Galimi, C. Lauricella, C. Zanon, T. Perera, S. Veronese, G. Corti, A. Amatu, M. Gambacorta, L.A. Diaz Jr., M. Sausen, V. E. Velculescu, P. Comoglio, L. Trusolino, F. Di Nicolantonio, Silvia Giordano and S. Siena. Amplification of MET receptor drives resistance to anti-EGFR therapies in colorectal Cancer. <i>Cancer Discovery</i> June 2013;3 (6):658-73 S. Misale, S. Arena, S. Lamba, G. Siravegna, A. Lallo, S. Hobor, M. Russo, M.Buscarino, L.Lazzari, A. Sartore-Bianchi, K. Bencardino, A. Amatu, C. Lauricella, E. Valtorta, S. Siena, F. Di Nicolantonio and A. Bardelli. Blockade of EGFR and MEK intercepts genetically heterogeneous mechanisms of acquired resistance to anti-EGFR therapies in colorectal cancer. <i>Science Translational Medicine</i> Feb. 2014, 19;6(224):224ra26 E.Medico, M.Russo, G. Picco, C.Cancelliere, E. Valtorta, G. Corti, M.Buscarino, C.Isella, S. Lamba, B. Martinoglio, S.Veronese, S.Siena, A. Sartore-Bianchi, M. Beccuti, M.Mottolese, M.Linnebacher, F.Cordero, F. Di Nicolantonio, A. Bardelli. The molecular landscape of colorectal cancer cell lines unveils clinically actionable kinase targets.<i>Nature Commun. Apr. 2015 30;6:7002</i> G.Siravegna, B.Mussolini, M.Buscarino, G. Corti, A.Cassingena, G.Crisafulli, A.Ponzetti, C.Cremolini, A.Amatu, C.Lauricella, S.Lamba, S.Hobor, A.Avallone, E. Valtorta, G.Rospo, E.Medico, V.Motta, C.Antoniotti, F.Tatangelo, B. Bellosillo, S.Veronese, A.Budillon, C.Montagut, P.Racca, S.Marsoni, A.Falcone, R.B. Concorran, F. Di Nicolantonio, F. Loupakis, A. Sartore-Bianchi, S.Siena, A. Bardelli. Clonal evolution and resistance to EGFR blockade in the blood of colorectal cancer patients..<i>Nature Med.</i>2015 Jul;21(7):795-801 S.Bologna V.Altmannova, E. Valtorta, C.Koenig, P.Liberali, C.Gentili, D.Anrather, G.Ammerer, I.Pelkmans, S.Ferrari. Sumoylation regulates EXO1 stability and processing of DNA damage. <i>Cell Cycle</i>. 2015 Aug3;14(15):2439-50. G.Metro, E. Valtorta, A. Siggillino, C.Lauricella, M.Cenci, V.Ludovini, E.Minenza, E.Prosperi, B.Ricciuti, A.Rebonato, A.Bassetti, L.Crinò. Enteric-type adenocarcinoma of the lung harbouring a novel KRAS Q22K mutation with concomitant KRAS polysomy: a case report. <i>Ecancermedical science</i>. 2015, Jul.28;9:559

MILANO, 2/08/2015
Emanuele Valtorta